

CONGRESO LATINOAMERICANO DE BIOQUIMICA CLÍNICA

CONGRESO INTERNACIONAL DEL COLEGIO NACIONAL DE BACTERIOLOGÍA



¡El riesgo es que te quieras quedar!

Cartagena, Colombia 3 al 6 OCTUBRE 2024



Dinámica del virus del dengue como aporte a la Vigilancia en Salud Pública

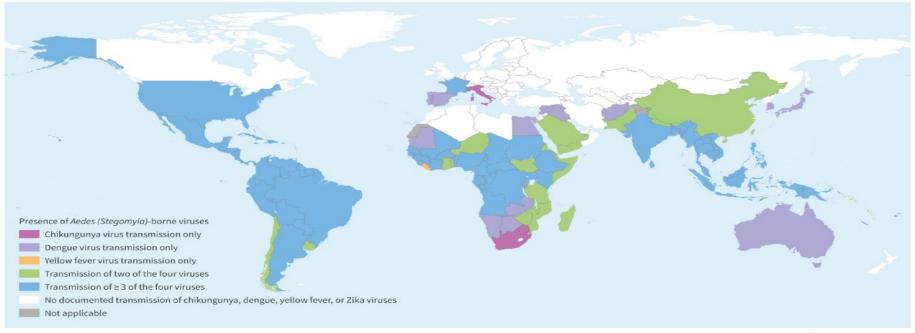
Sergio Yebrail Gómez Rangel sgomezr@ins.gov.co
Coordinador Grupo de Virología-LNR - DRSP 2024-10-05







Countries and territories with current or previous transmission of chikungunya, dengue, yellow fever, or Zika viruses (as of 25/10/2023)



The designations employed and the presentation of the material in this publication do not imply the expression of any opinion whatsoever on the part of WHO concerning the legal status of any country, territory, city or area or of its authorities, or concerning the delimitation of its frontiers or boundaries. Dotted and dashed lines on maps represent approximate border lines for which there may not yet be full agreement.

Data Source: World Health Organization Map Production: WHO Health Emergencies Programme Request ID: RITM00065 1,500 3,000 Kn



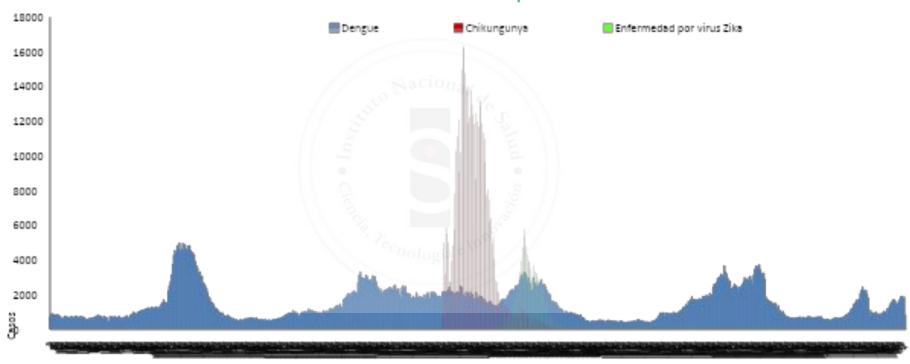
© WHO 2023, All rights reserved.







Comportamiento epidemiológico de dengue, chikungunya y zika 2008 – 2022p



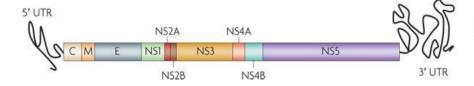




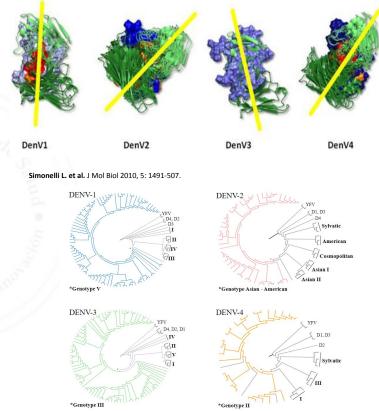




https://www.sciencephoto.com/media/477406/view/dengue-virus-capsid-molecular-model



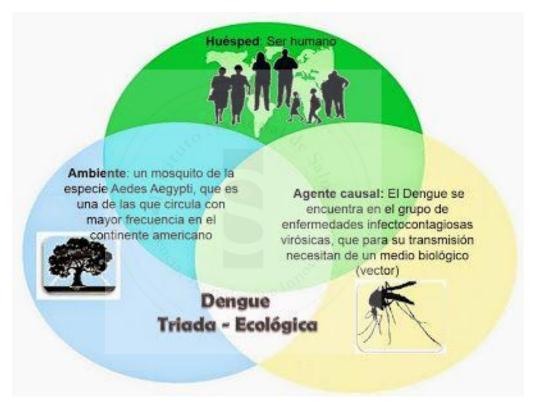
Maria G. Guzman. Dengue: a continuing global threat. Nature Reviews Microbiology , S7-S16 | doi:10.1038/nrmicro2460







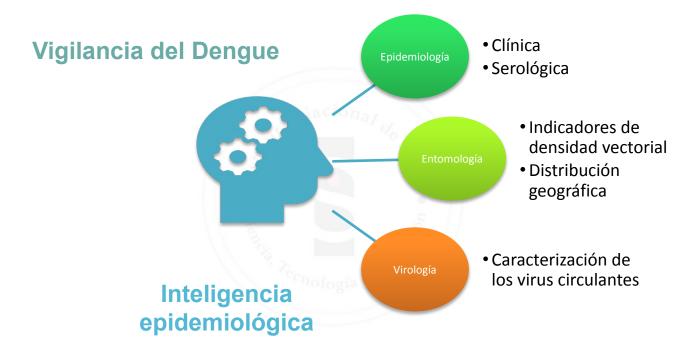












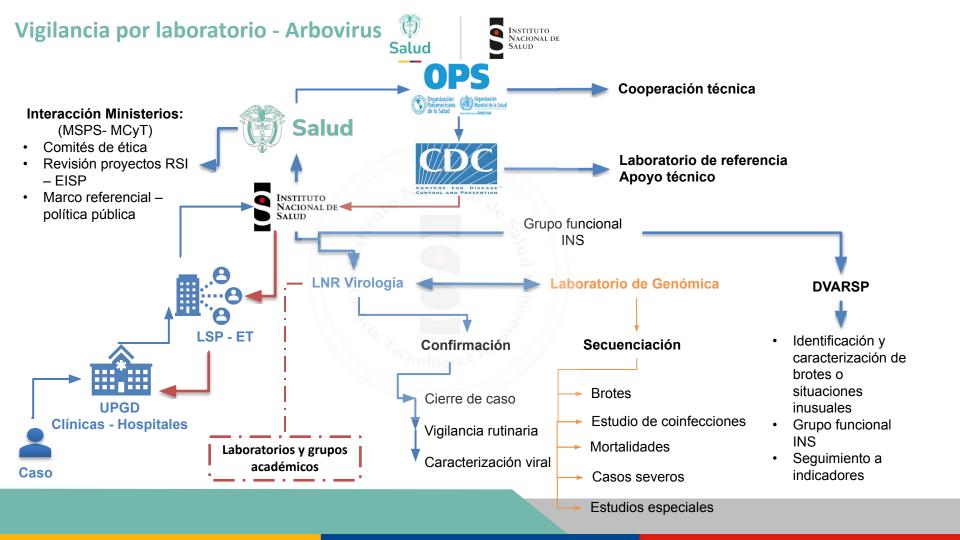






Esquema de notificación de muestras en la red de salud pública: responsabilidades y roles Mar Caribe Salud INSTITUTO NACIONAL DE SALUD Norte de Santander Córdoba INSTITUTO
NACIONAL DE LNR Virología Océano Pacifico Cundinamarça Vichada Vigilancia virológica Guainía Guaviare **LSP** √igi ancia rutinaria NS₁ Serotipo circulante Amazonas **UPGD** Caracterización genética Red Nacional de Laboratorios Clínicas - Hospitales LSPD Nivel departamental **IgM** 15 – 20 muestras semanales NS₁ Representatividad geográfica Caso

y temporal









Estudio de la dinámica del virus del dengue

- Caracterizar la circulación de serotipos del virus en el país.
- ✓ Monitorear cambios en la dominancia relativa de los serotipos: Asociación a ocurrencia de brotes
- ✔ Investigar la predominancia particular de alguno de ellos en una región o departamento.
 - Caracterizar genéticamente los virus circulantes
- Emergencia de nuevos genotipos o linajes
- Asociación a ocurrencia de brotes







Vigilancia por laboratorio

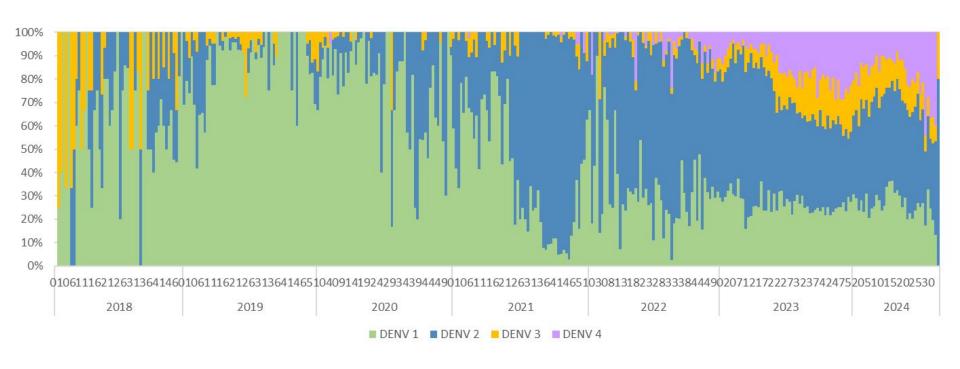








Distribución de serotipos de DENV en Colombia

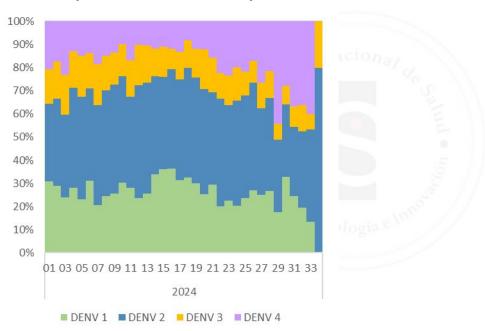








Circulación de serotipos del virus del dengue por SE, Colombia 2024p





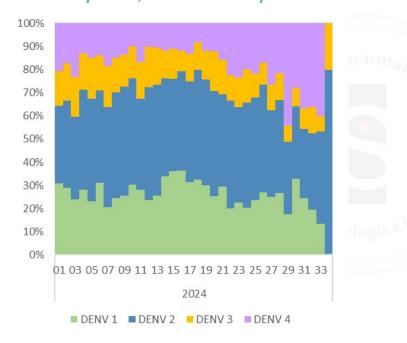




Distribución de serotipos del virus del dengue por departamento de ocurrencia en Colombia 2024p

Entidad territorial	DENV 1	DENV 2	DENV 3	DENV 4
Amazonas	0	•	•	0
Antioquia		•		
Arauca				
Atlántico				
Bolívar				
Boyacá				
Caldas				
Caquetá		•		
Casanare				
Cauca		•		
Cesar	0			
Chocó				
Córdoba				
Cundinamarca				
Guainía				
Guaviare		•		
Huila	0	•		
La Guajira		•		
Magdalena				
Meta				0
Nariño .				
Norte De Santander				
Putumayo				
Quindío				
Risaralda				
San Andrés		•		
Santander				
Sucre				
Tolima				
Valle Del Cauca				0
Vaupés				
Vichada	0	•		
Nacional				

Circulación de serotipos del virus del dengue por SE, Colombia 2024p



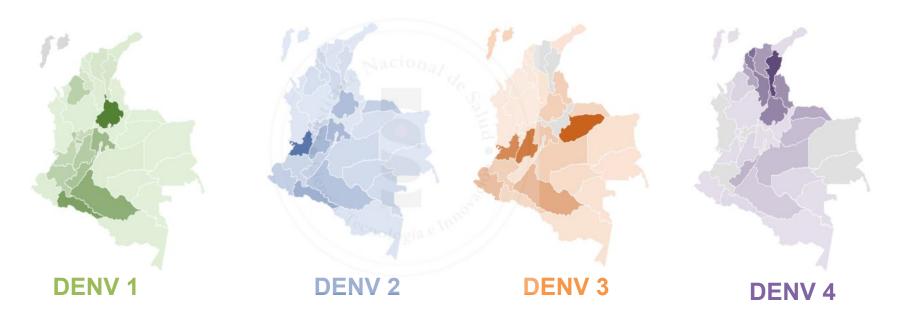
Fuente: INS. Sivilab, Colombia

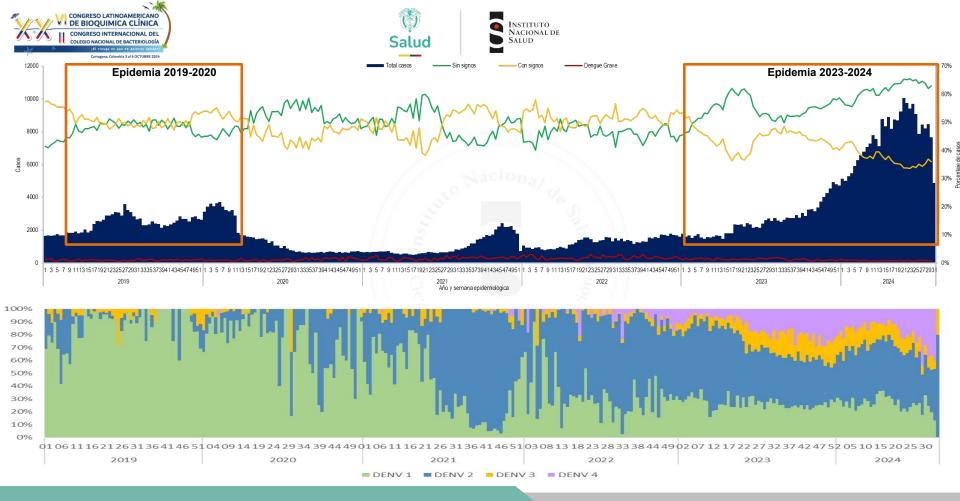






Circulación de serotipos de DENV en Colombia, 2024p



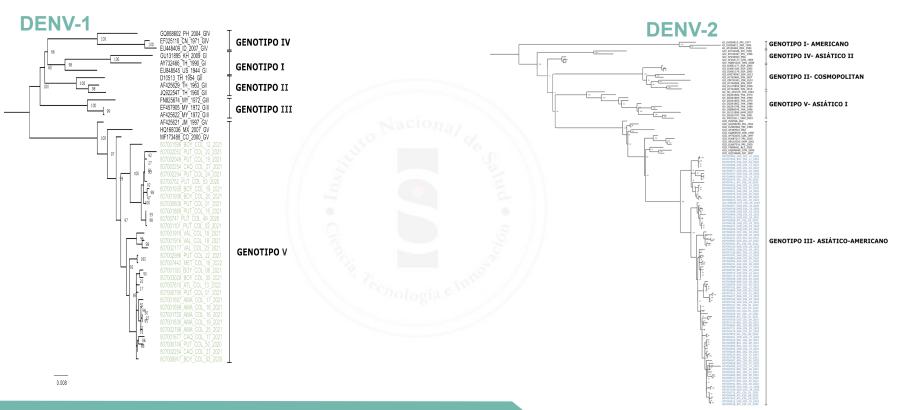








Genotipificación rutinaria DENV en Colombia



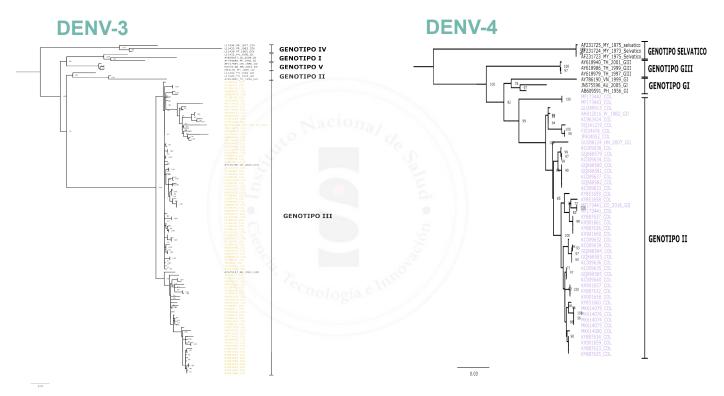
Genotipificación de los serotipos DENV-1, -3 y -4 empleando el gen de la envoltura (E). Topología generada bajo algoritmo ML, bajo el modelo GTR+Gamma+Invariantes (DENV-1 y -3) y GTR+Gamma (DENV-4). Ultraboostrap de 1000 replicas







Genotipificación rutinaria DENV en Colombia

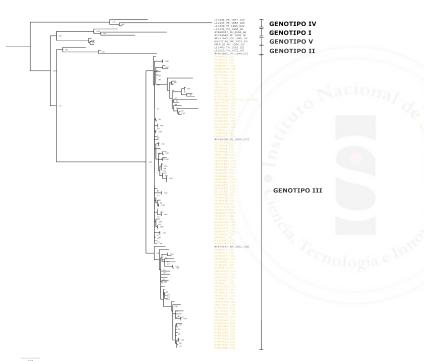








Genotipificación DENV-3 en Colombia



Reemergence of Dengue Virus Serotype 3, Brazil, 2023

Felipe Gomes Naveca,1 Gilberto A. Santiago,1 Rodrigo Melo Maito, Cátia Alexandra Ribeiro Meneses, Valdinete Alves do Nascimento, Victor Costa de Souza, Fernanda Oliveira do Nascimento, Dejanane Silva, Matilde Mejía, Luciana Gonçalves, Regina Maria Pinto de Figueiredo, Ana Cecília Ribeiro Cruz, Bruno Tardelli Diniz Nunes, Mayra Marinho Presibella, Nelson Fernando Quallio Marques, Irina Nastassja Riediger, Marcos César Lima de Mendonça, Fernanda de Bruycker-Nogueira, Patricia C Segueira, Ana Maria Bispo de Filippis. Paola Resende, Tulio Campos, Gabriel Luz Wallau, Tiago Gräf, Edson Delatorre, Edgar Kopp, Andrea Morrison, Jorge L. Muñoz-Jordán,2 Gonzalo Bello²

> We characterized 3 autochthonous dengue virus serotype 3 cases and 1 imported case from 2 states in the North and South Regions of Brazil, 15 years after Brazil's last outbreak involving this serotype. We also identified a new Asian lineage recently introduced into the Americas, raising concerns about future outbreaks.



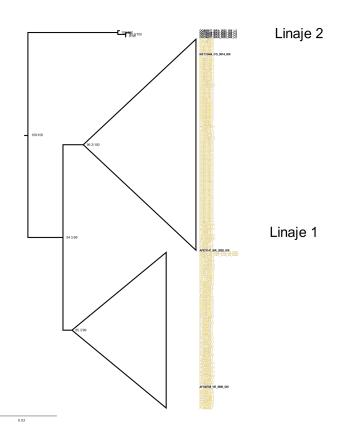




¿Cómo es la circulación de linajes del genotipo 3 de DENV-3?

Hasta la fecha solo se ha identificado que en Colombia circula el **linaje 1 del genotipo 3**

No se observa estructura ni temporal, ni geográfica.

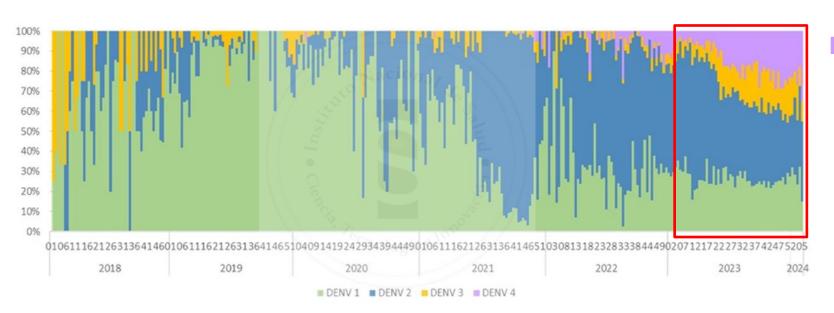








Aumento en los casos DENV-4 en el 2023 impulsó la necesidad de identificar sospecha una posible introducción

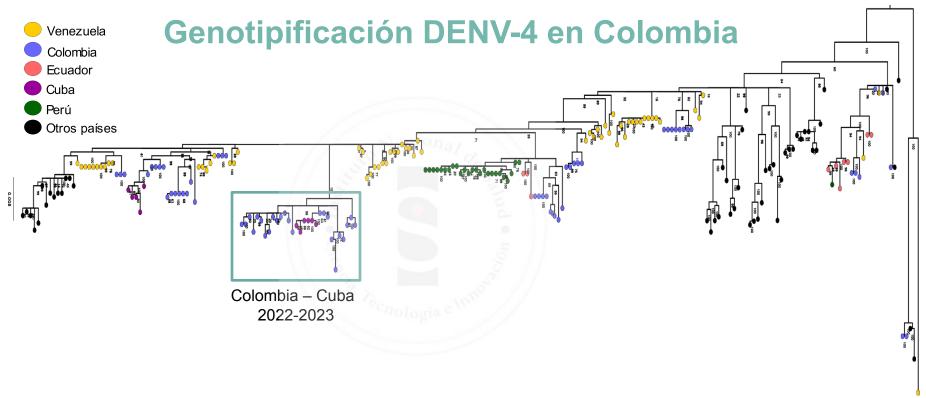


DENV-4





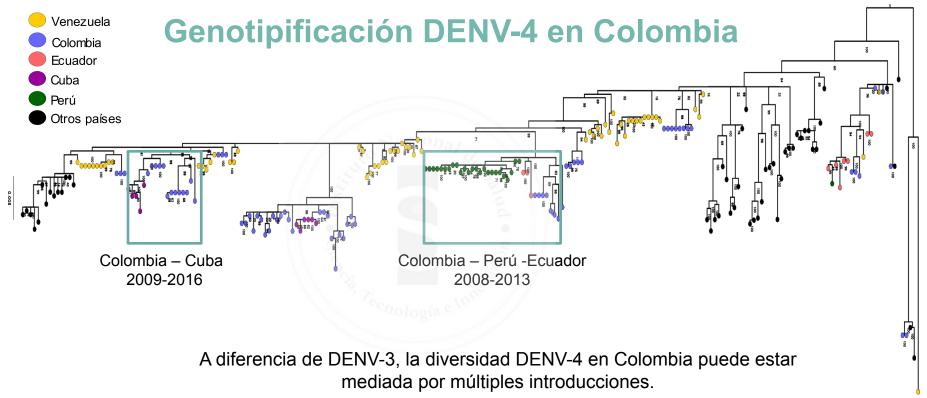










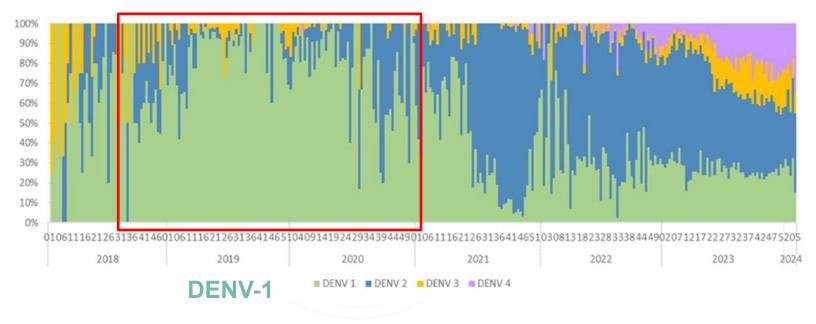








Circulación dominante de DENV-1 durante varios años en Colombia

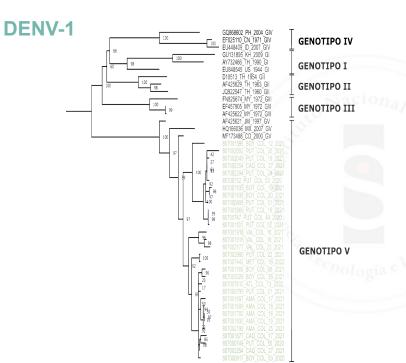




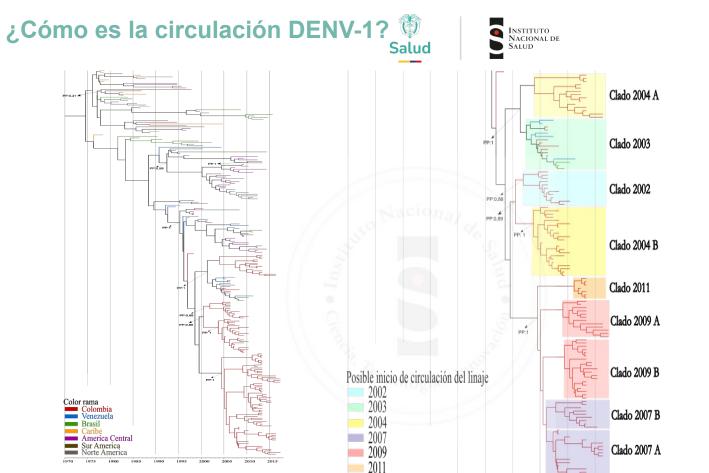




Genotipificación DENV-1 en Colombia



Para DENV-1 se ha identificado la circulación de genotipo V





Diversificación In-situ en Colombia.

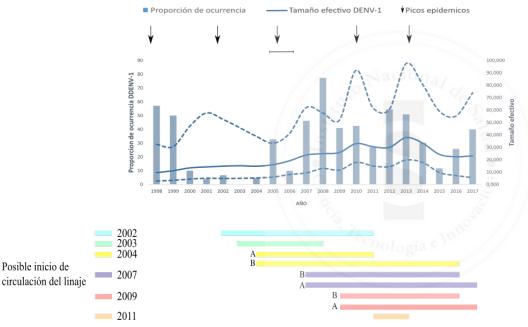
No se observa agrupación por área geográfica







Diversidad genética Vs Grandes brotes



 Los brotes de los años 2008, 2010 y 2013 coinciden con aumento previo del tamaño efectivo (diversidad genética) de DENV-1, junto con la circulación de nuevos clados o co-circulación de varios de ellos.

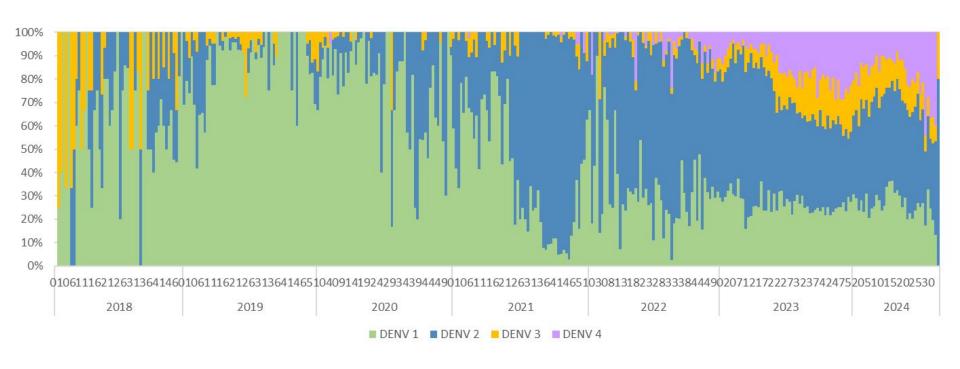
 Los picos epidémicos del 1998, 2002 y 2006-2007 pueden llegar a ser explicados por un aumento de la diversidad de otros serotipos.







Distribución de serotipos de DENV en Colombia







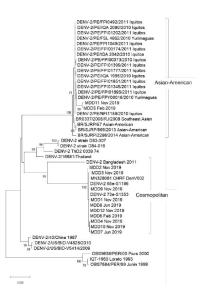


PMCID: PMC10305074

PMID: 37368743

LETTER TO THE EDITOR

EMERGENCE OF THE COSMOPOLITAN GENOTYPE OF DENGUE VIRUS SEROTYPE 2 (DENV2) IN MADRE DE DIOS, PERU, 2019



Emergence of Dengue Virus Serotype 2 Cosmopolitan Genotype, Brazil

Emerg Infect Diseases • www.cdc.gov/eid • Vol. 28, No. 8, Aug 2022

Trop Med Infect Dis. 2023 Jun; 8(6): 325.

Published online 2023 Jun 17. doi: 10.3390/tropicalmed8060325

Emergence of a New Strain of DENV-2 in South America: Introduction of the Cosmopolitan Genotype through the Brazilian-Peruvian Border

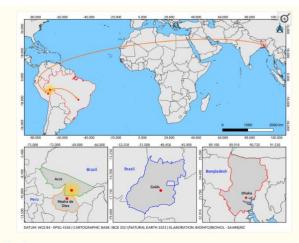


Figure 2

Map illustrating the likely route of introduction of DENV-2 suggested by this study. Orange arrows indicate only the exit from the point of origin and arrival by an unmapped route (Dakha/Bangladesh—Acre/Brazil), (Acre/Brazil)—Goiás/Brazil), based on reports from the last five years. The colours delineate the states and the intersections between the regions of the country. The yellow gradient circle indicates the occurrence of possible dispersal of the strain to other regions of Brazil and bordering countries. The map was built using QGIS v.3.28 software, available at https://qgisorg/gt-BR/site/ (accessed on 23 April 2023).

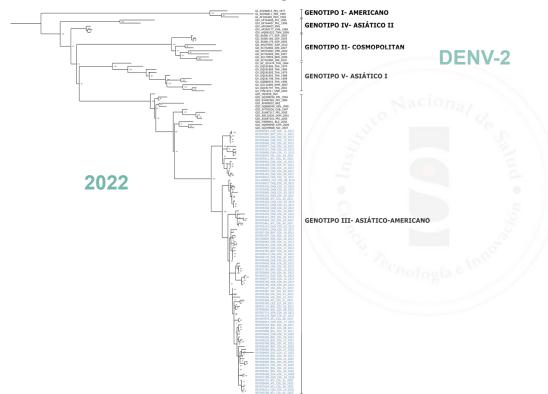
Figura 1 Árbol filogenético construido con el algoritmo Maximum Likehook que muestra la homologia del DNEV-2 con el genotipo Cosmopolitan del brote de Madre de Dios-Perú, 2019. El valor Bootstrap (>70) es representado en la raíz de cada clúster.







Genotipificación rutinaria DENV en Colombia

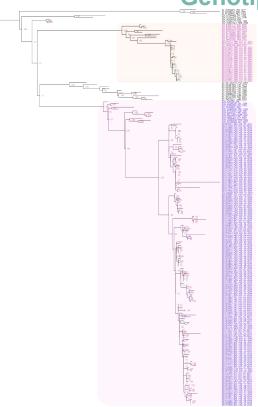








Genotipificación rutinaria DENV en Colombia



COSMOPOLITAN DENV-2 2022-2023









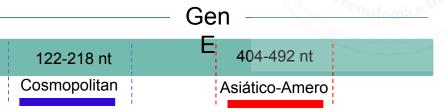


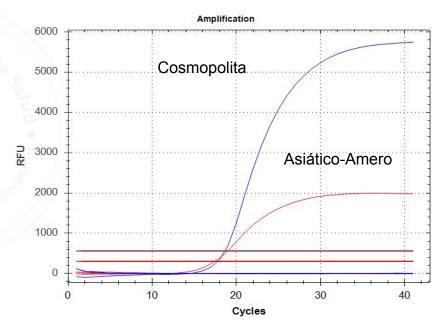
Diseño de Multiplex para detección de genotipo Cosmopolitan y Asiático Americano

Secuencias, diferente temporalidad:

- Colombia
- Brasil
- Perú
- Asia

Regiones conservadas para cada genotipo







Detección de genotipo Cosmopolitan DENV 2 Colombia, 2023 – 2024

		Serotipo	Genotipo		
	Departamento ocurrencia	DENV 2	Asiatico - Americano	Cosmopolitan	
	Amazonas	329	2	41	
	Antioquia	41	5	6	
	Arauca	222	42		
	Atlantico	132	20		
	Bolivar	600	138	4	
	Boyaca	111	5	1	
	Caldas	115	6	3	
	Caqueta	277	14	8	
	Casanare	287	13		
	Cauca	210	19	23	
	Cesar	230	acion 39	8	
	Choco	66	10		
	Cordoba	107	17	3	
	Cundinamarca	393	37	13	
	Guainia	11	0		
lp	Guaviare	238	23	1	
rP	Huila	271	21	11	
	La Guajira	51	1 5		
	Magdalena	78	12	7	
	Meta	766	43	3	
	Nariño	157	2	9	
	Norte de Santander	94	14		
	Putumayo	363	5	61	
	Quindio	97	6	4	
	Risaralda	77	3	4	
	San Andres	23	7	1	
	Santander	610	125	6	
	Sucre	198	36		
	Tolima	1077	143	20	
	Valle del Cauca	847	55	121	
	Vaupes	130	5	3	
	Vichada	28	0		
	Exterior	11	2	2	
	Total	8247	870	363	



Fuente: INS. Sivilab, Colombia







RETOS DE LA VIGILANCIA DEL DENGUE

Resultados para la toma de decisiones en salud pública

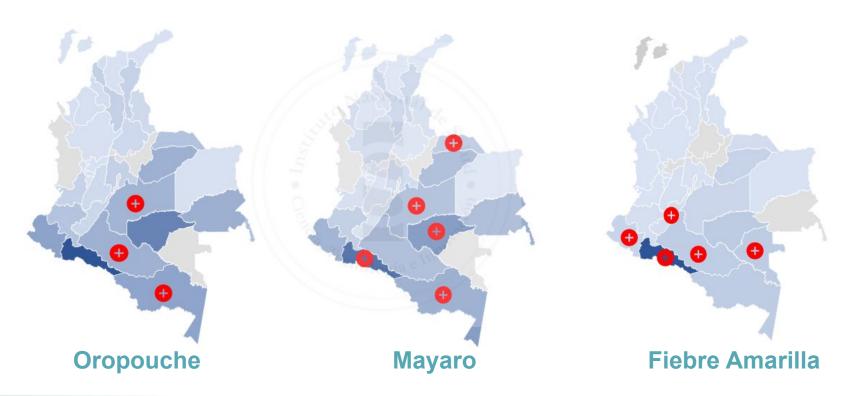
- Representatividad geográfica y temporal de la vigilancia viral
- Oportunidad en los análisis virales
- Vigilancia genómica del dengue
- Sostenibilidad de los planes, programas e intervenciones
- Vigilancia del dengue y co-circulación de otros arbovirus







Detección de otros Arbovirus, Colombia 2024p













OPS





Laboratorios Clínicos públicos y privados
Laboratorios de Salud Pública

departamentales y distrital

Muchas ! Gracias!



www.ins.gov.co









- PBX: (601) 220 77 00 / exts. 1101 1214

