







### Estado de la COVID-19 en Colombia

Steev Loyola
Grupo de Investigación UNIMOL – A1, Universidad de Cartagena
ORCID: 0000-0001-5455-2423
steev.loyola@gmail.com/sloyolas@unicartagena.edu.co







## Plan de presentación

- 1. Generalidades sobre SARS-CoV-2 (S2) y COVID-19
- 2. Epidemiología global y situación actual en Colombia
- 3. Aportes desde el diagnóstico e investigación
- 4. Conclusiones







## Plan de presentación

### 1. Generalidades sobre SARS-CoV-2 (S2) y COVID-19

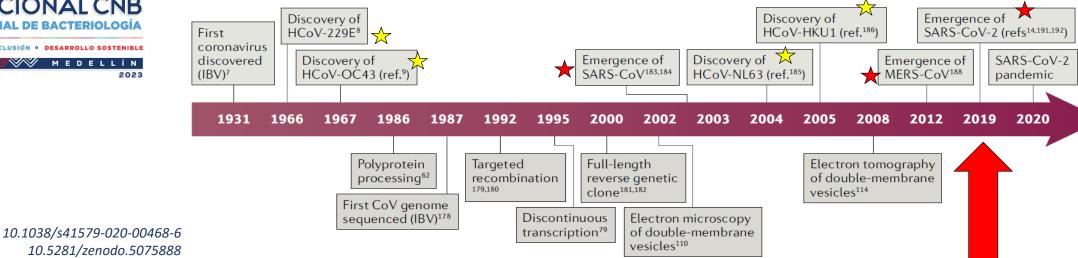
- 2. Epidemiología global y situación actual en Colombia
- 3. Aportes desde el diagnóstico e investigación
- 4. Conclusiones







## Emergencia histórica de los coronavirus causantes de enfermedad en humanos



- Reportes frecuentemente relacionados a un origen zoonótico
- La ruta de transmisión no es clara, y el huésped primario no ha sido identificado con certeza
- Virus son frecuentemente detectados en múltiples animales menores: procesos de recombinación, mutación, y evolución asociados

Animal sales from Wuhan wet markets immediately prior to the COVID-19 pandemic

Xiao Xiao, Chris Newman, Christina D. Buesching, David W. Macdonald & Zhao-Min Zhou 🖼

Scientific Reports 11, Article number: 11898 (2021) | Cite this article

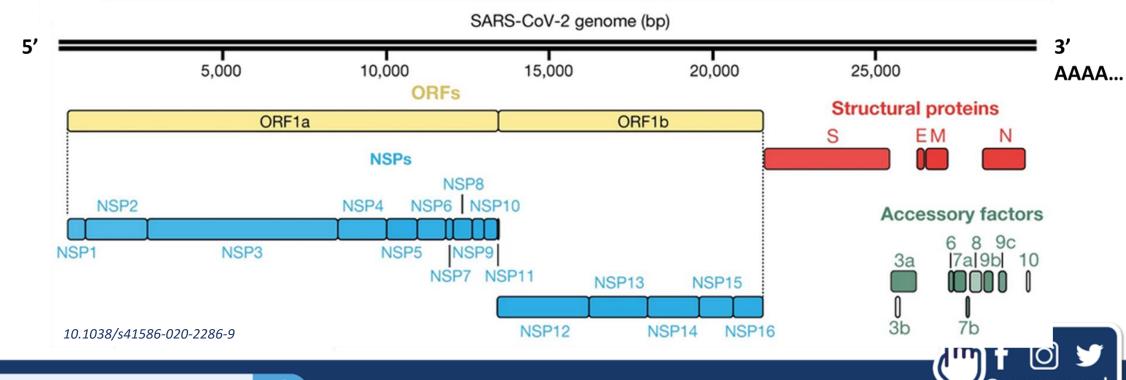






### Características genéticas del S2

- ssRNA+, no segmentado (Clase IV Baltimore)
- 14 ORFs antecedidos por regiones reguladoras transcripcionales
- hcov-19/Wuhan/WIV04/2019 (MN996528) 29891 bp ~ 30kb



### Clasificación taxonómica del S2

Coronaviruses

Category



"2019-nCoV-2" renombrado a "SARS-CoV-2" por homología con especies del SARS (~79.5%)

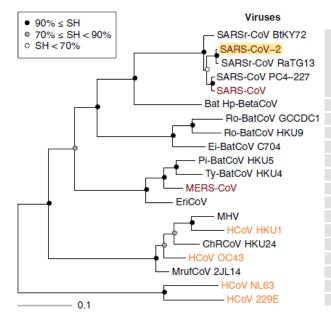
A nivel genómico, mayor homología con RaTG13 (98.3%)

Catego	лу	Coronaviruses	Hullialis	Divergence
Realm		Riboviria		
Order		Nidovirales	Primates	
Suboro	der	Cornidovirineae		
Family	,	Coronaviridae	Hominidae	
Subfar	nily	Orthocoronavirinae	Homininae	•
Genus		Betacoronavirus	Ното	•
Subge	nus	Sarbecovirus		•
Specie	s	Severe acute respiratory syndrome-related coronavirus	Homo sapiens	•
Individ	luum	SARS-CoVUrbani, SARS-CoVGZ-02, Bat SARS CoVRf1/2004, Civet SARS CoVSZ3/2003, SARS-CoVPC4-227, SARSr-CoVBtKY72, SARS-CoV-2 Wuhan-Hu-1, SARSr-CoVRatG13, and so on.	Dmitri Ivanovsky, Martinus Beijer Friedrich Loeffler, Barbara McCli Marie Curie, Albert Einstein, Rosalind Franklin, Hideki Yukawa and so on.	ntock,

Humans

Divergence

#### 10.1038/s41564-020-0695-z



### Severe acute respiratory syndrome-related coronavirus

Species

Bat Hp-betacoronavirus Zhejiang2013
Rousettus bat coronavirus GCCDC1
Rousettus bat coronavirus HKU9
Eidolon bat coronavirus C704\*
Pipistrellus bat coronavirus HKU5
Tylonycteris bat coronavirus HKU4
Middle East respiratory syndrome-related coronavirus
Hedgehog coronavirus 1
Murine coronavirus
Human coronavirus HKU1
China Rattus coronavirus HKU24
Betacoronavirus 1
Myodes coronavirus 2JL14\*
Human coronavirus NL63

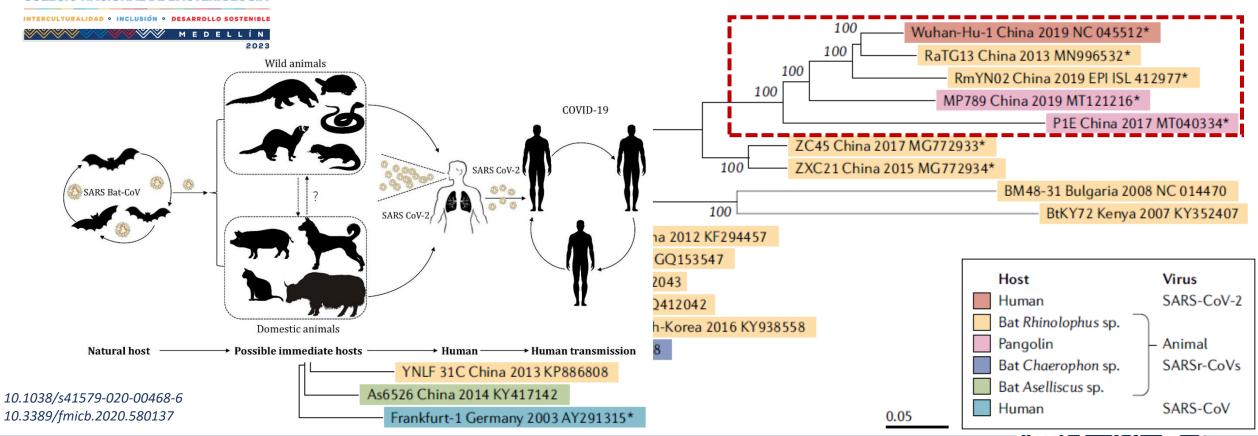
Human coronavirus 229E





## S2 altamente homólogo a otros coronavirus detectados en animales: ¿origen zoonótico?

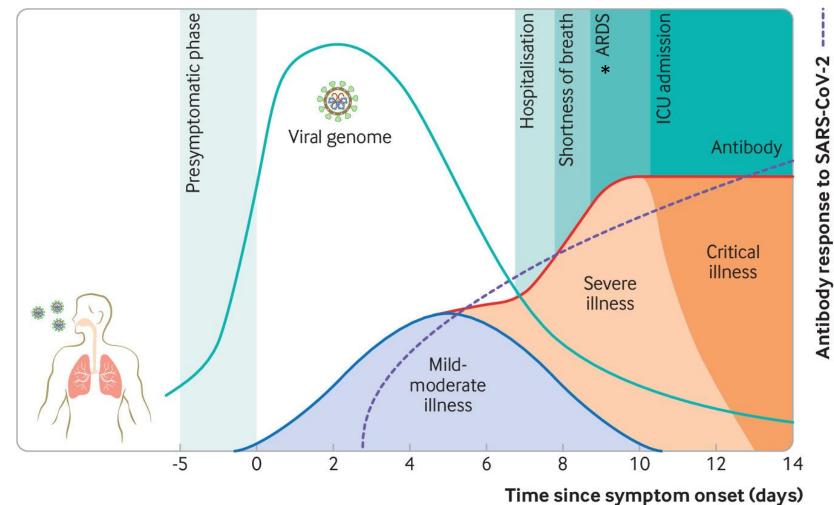
Análisis de genomas completos y dominios involucrados en el reconocimiento virus-célula





# CONGRESO INTERNACIONAL CNB COLEGIO NACIONAL DE BACTERIOLOGÍA INTERCULTURALIDAD O INCLUSIÓN O DESARROLLO SOSTENIBLE M E D E L L Í N 2023

### Ciclo natural de infección y enfermedad



5d incubación (variable de acuerdo a la variante viral)

10.1136/bmj.m3862 \*Síndrome de distres agudo respiratorio

SARS-CoV-2 viral load

www.congresocnb.com

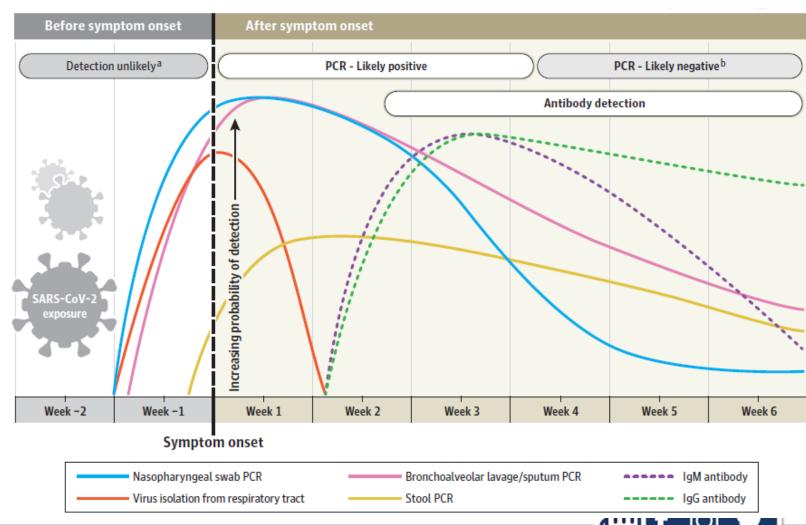
Symptom onset (days)

@congreso.cnb



- El uso de una prueba de laboratorio debe responder a un objetivo: ¿diagnóstico de infección/enfermedad o medir exposición?
- La sensibilidad diagnóstica está afectada por el tiempo de enfermedad
- Mientras que, la sensibilidad analítica por la cantidad de virus, antígeno o anticuerpo presente en la muestra

Pruebas diagnósticas y dinámica de la enfermedad



@congreso.cnb

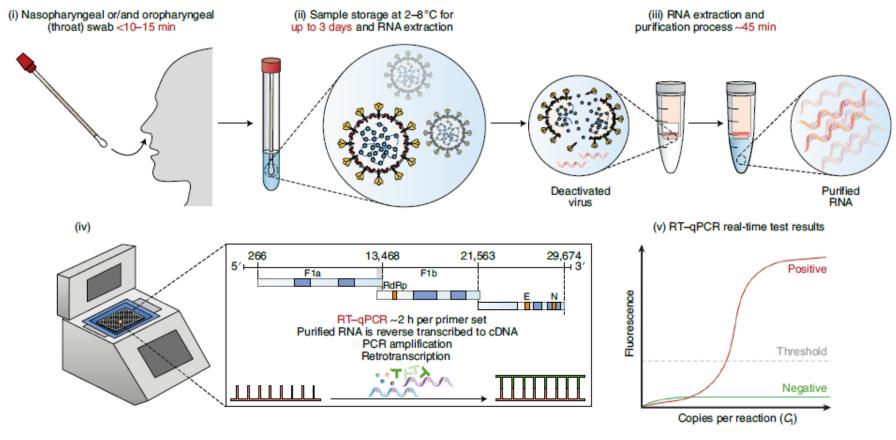
10.1001/jama.2020.8259





- La base es el RT-PCR (convencional o de punto final), luego, podemos aplicar modificaciones como el tiempo real, LAMP, etc.
- Blancos genéticos: N,E, S, RdRP y/o ORF1ab
- Cada metodología tiene un rendimiento diferente, retos y necesidades propias

### Pruebas con valor diagnóstico: RT-PCR





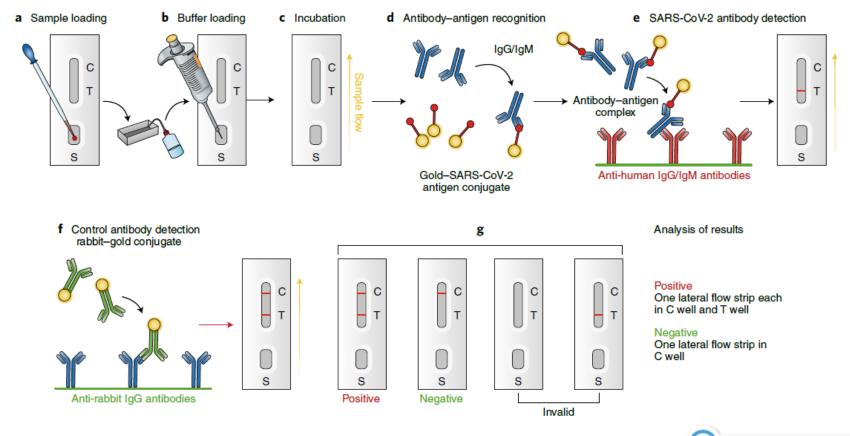






- El principio se sustenta en la detección de una molécula mediante otra que está marcada
- Se revelan complejos antígeno-anticuerpos

## Pruebas con valor diagnóstico: Flujo lateral para detectar Ag (a.k.a.: prueba rápida)



10.1038/s41563-020-00906-z







### Plan de presentación

- 1. Generalidades sobre SARS-CoV-2 (S2) y COVID-19
- 2. Epidemiología global y situación actual en Colombia
- 3. Aportes desde el diagnóstico e investigación
- 4. Conclusiones

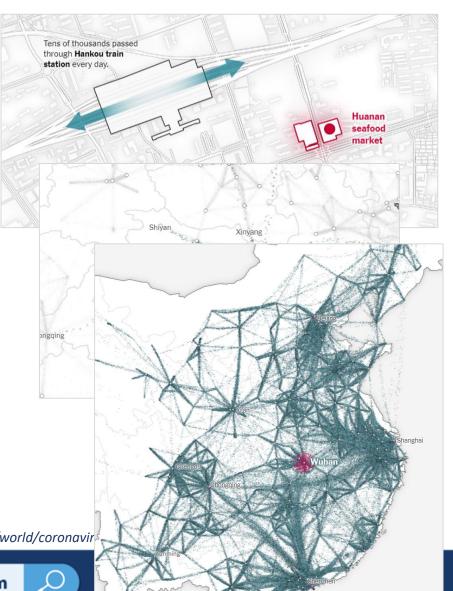


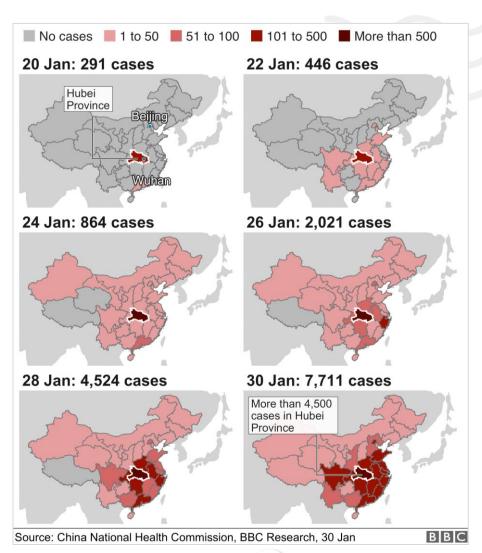


# CONGRESO INTERNACIONAL CNB COLEGIO NACIONAL DE BACTERIOLOGÍA INTERCULTURALIDAD O INCLUSIÓN O DESARROLLO SOSTENIBLE M E D E L L Í N 2023

- DIC2019: Casos de neumonía atípica en Wuhan, Hubei, China
- ENE2020: Aislamiento e identificación de un nuevo coronavirus. OMS declara el estado de emergencia
- MAR2020: OMS declara pandemia

### **Emergencia del S2**







@congreso.cnb

https://www.nytimes.com/interactive/2020/03/22/world/coronavir

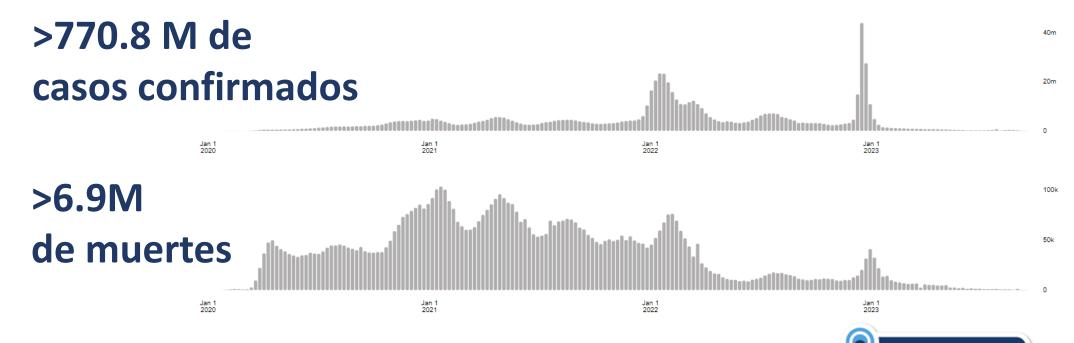




### Situación global – cifras oficiales de la OMS

Es importante mencionar que el reporte de casos incidentes está afectado, entre muchos factores, por la ejecución de pruebas y por los esfuerzos de vigilancia

10.17843/rpmesp.2020.372.5461

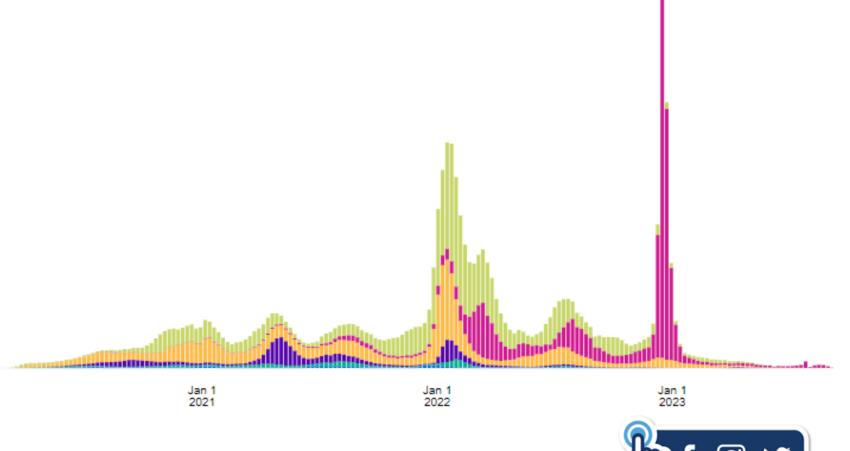


https://covid19.who.int/



#### **CONGRESO** INTERNACIONAL CNB INTERCULTURALIDAD . INCLUSIÓN . DESARROLLO SOSTENIBLE Europe 276,134,635 confirmed Western Pacific 207,284,734 Americas 193,286,267 confirmed South-East Asia 61,205,037 Eastern Mediterranean 23,394,122 confirmed **Africa** 9,569,874 Source: World Health Organization Jan 1 2020 Data may be incomplete for the current day or week.

### Impacto regional: casos confirmados



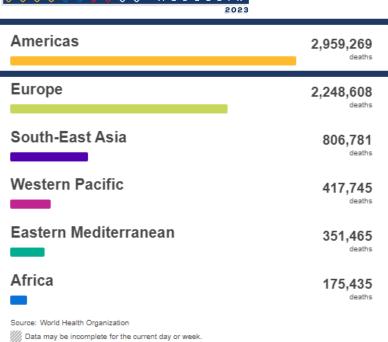
@congreso.cnb

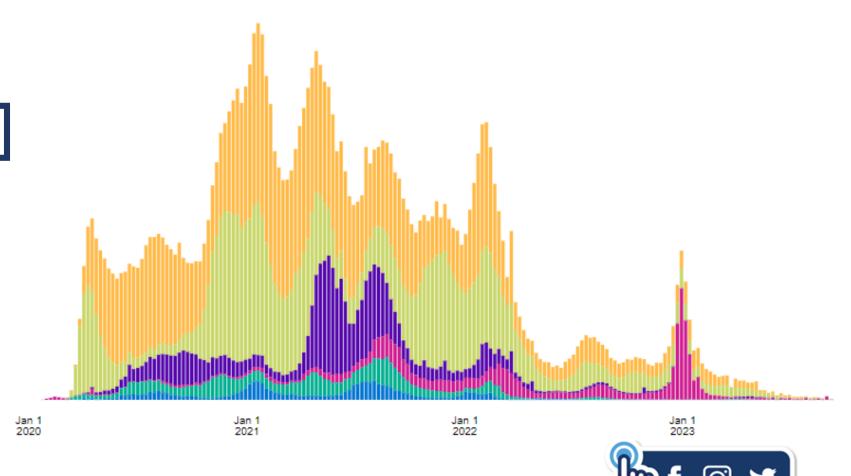
https://covid19.who.int/



# CONGRESO INTERNACIONAL CNB COLEGIO NACIONAL DE BACTERIOLOGÍA INTERCULTURALIDAD • INCLUSIÓN • DESARROLLO SOSTENIBLE M E D E L L Í N 2023

### Impacto regional: muertes





@congreso.cnb

https://covid19.who.int/

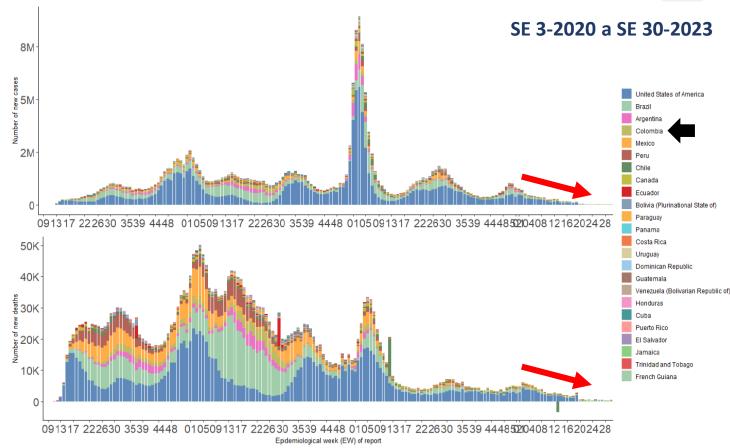




### En la región, clara tendencia a la disminución de casos, muertes, y hospitalizaciones

- En Colombia aún se siguen detectado/reportando casos
- Colombia no se posiciona entre los países con mayor número de casos o muertes en los últimos 28d: clara tendencia a la disminución

# Situación actual de la COVID-19 en Colombia y otros países de la región



Source: Data published by Ministries of Health

https://www.paho.org/en/documents/monthly-covid-19-epidemiological-update-region-americas-02-august-2023



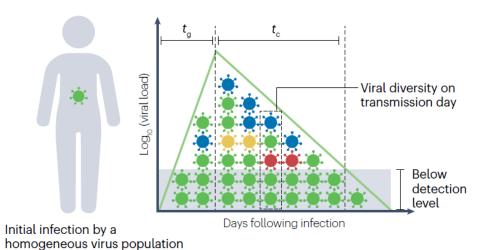


## Múltiples factores condicionan la emergencia de variantes virales

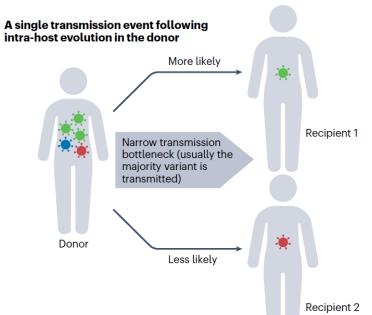
La evolución viral es explicada por múltiples niveles de complejidad; procesos a nivel individual (huésped) y poblacional, y por selección natural. Esta última determina procesos de emergencia, competencia y extinción viral.

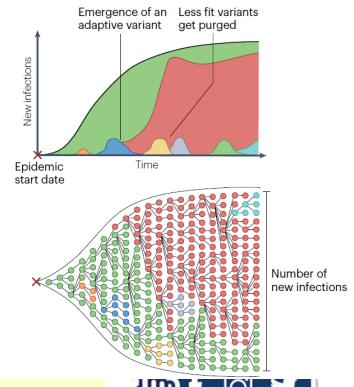
10.1038/s41579-023-00878-2

#### Intra-host evolution during an acute infection



Dos mecanismos claves determinan la emergencia de variantes; la ausencia de *exonuclease proofreading activity* y el sistema inmune





El "transmision bottleneck" explica la emergencia de variantes y la transmisión de variantes muy frecuentes



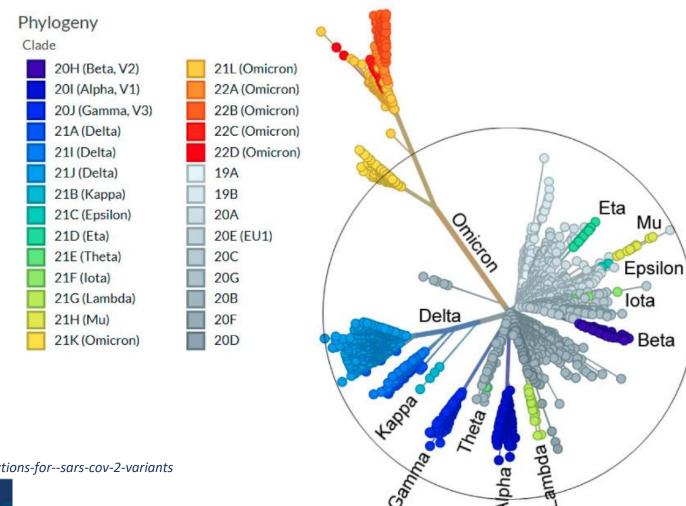
# CONGRESO INTERNACIONAL CNB COLEGIO NACIONAL DE BACTERIOLOGÍA INTERCULTURALIDAD O INCLUSIÓN O DESARROLLO SOSTENIBLE M E D E L L Í N 2023

# Variantes de interés (VOI) y de preocupación (VOC): <u>Definiciones</u>

#### 17AGO23 - OMS

**VOI:** variante con cambios genéticos que se prevé o se sabe que afectan la transmisibilidad, virulencia, evasión de anticuerpos, susceptibilidad terapéutica y detectabilidad; **y** que se halla identificado que tiene ventaja de crecimiento sobre otras variantes circulantes en más de una región de la OMS con una prevalencia relativa creciente junto con un mayor número de casos, u otros impactos epidemiológicos aparentes que sugieran un riesgo emergente para la salud pública mundial

**VOC:** VOI con cambio perjudicial en la gravedad clínica de la enfermedad; **O** con cambio en la epidemiología de COVID-19 que cause un impacto sustancial en la capacidad de atención; **O** con disminución significativa de la eficacia de las vacunas disponibles en la protección contra la enfermedad grave.

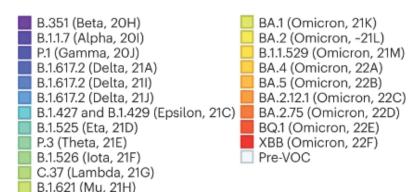


https://www.who.int/publications/m/item/updated-working-definitions-and-primary-actions-for--sars-cov-2-variants





## Variantes de interés (VOI) y de preocupación (VOC): <u>Circulación histórica</u>

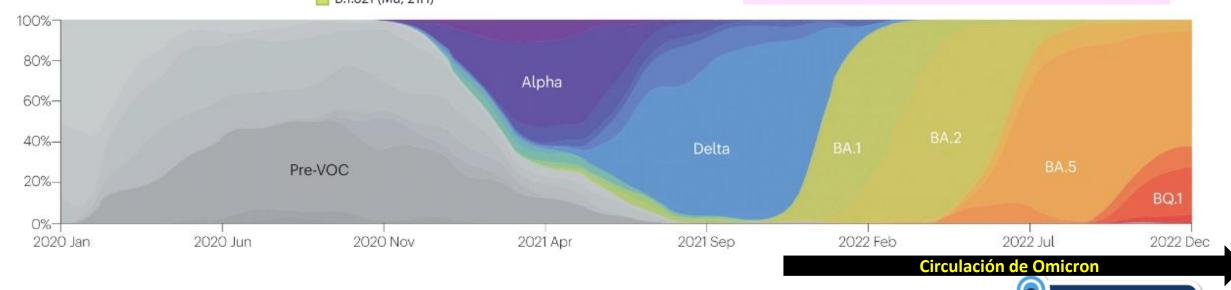


#### A Octubre del 2023:

- No circulación de VOCs
- Tres variantes con circulación actual han sido clasificadas como VOI:

XBB.1.5; XBB.1.16; y EG.5

https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants

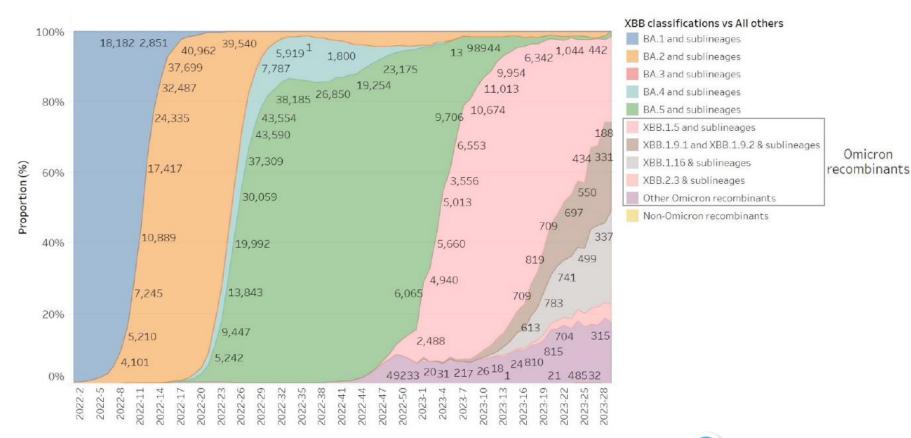


10.1038/s41579-023-00878-2





## Circulación de variantes del S2 en la región SE 2-2022 a SE 28-2023



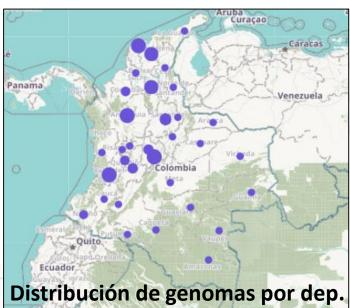
https://www.paho.org/en/documents/monthly-covid-19-epidemiological-update-region-americas-02-august-2023

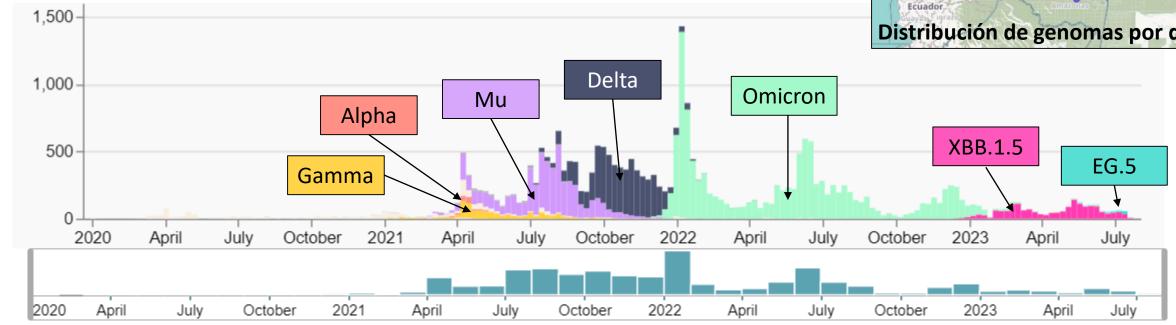






### Circulación histórica de variantes en Colombia





https://www.ins.gov.co/Noticias/Paginas/coronavirus-genoma.aspx



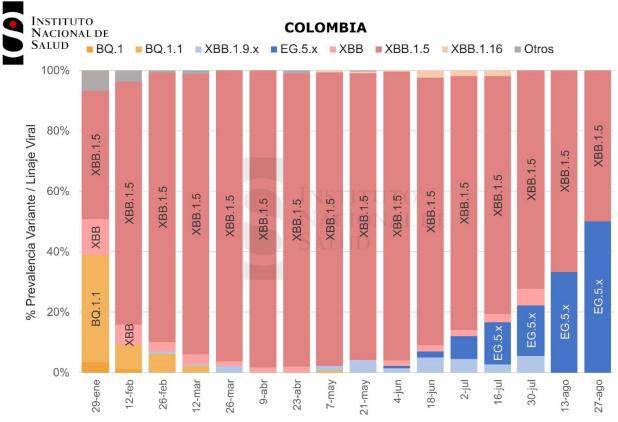


# CONGRESO INTERNACIONAL CNB COLEGIO NACIONAL DE BACTERIOLOGÍA INTERCULTURALIDAD • INCLUSIÓN • DESARROLLO SOSTENIBLE M E D E L L Í N 2023

### Circulación actual de variantes en Colombia

INS; "Ninguna de estas variantes circulantes están relacionadas con aumento significativo casos o tienen relación directa con pico epidemiológico, en contraste con lo observado para otras variantes circulantes previamente en el país como lo fueron Mu, Gamma y Ómicron (BA.1 y XBB.1.5)."





Fecha de muestreo guincenal 2023

Fuente: Instituto Nacional de Salud - Programa Nacional de Caracterización Genómica de SARS-CoV-2 Nota 1:Las secuencias incluyen muestras obtenidas por búsqueda activa de casos y estudio de conglomerados. Los porcentajes de distribución pueden variar de acuerdo a las muestras procesadas por RT-PCR en los distintos territorios.

Nota 2: Las categorías agrupan los sublinajes y descendientes que circulan en el país.

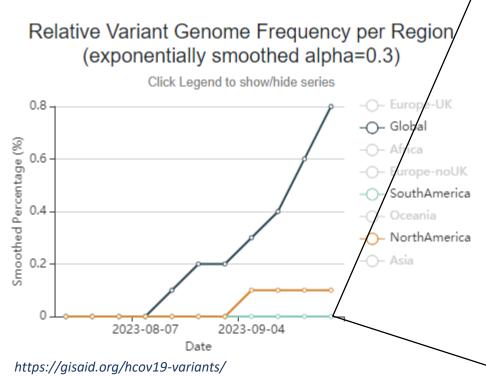


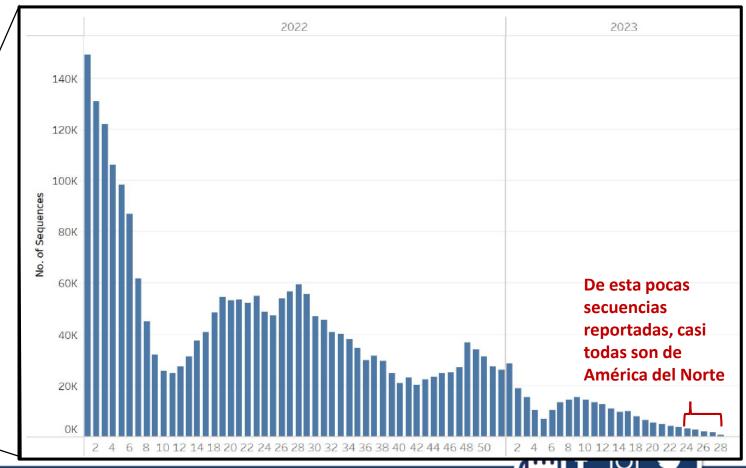


# CONGRESO INTERNACIONAL CNB COLEGIO NACIONAL DE BACTERIOLOGÍA INTERCULTURALIDAD • INCLUSIÓN • DESARROLLO SOSTENIBLE M E D E L L Í N 2023

## Significativa reducción del reporte de secuencias genómicas en la región América

https://www.paho.org/en/documents/monthly-covid-19-epidemiological-update-region-americas-02-august-2023





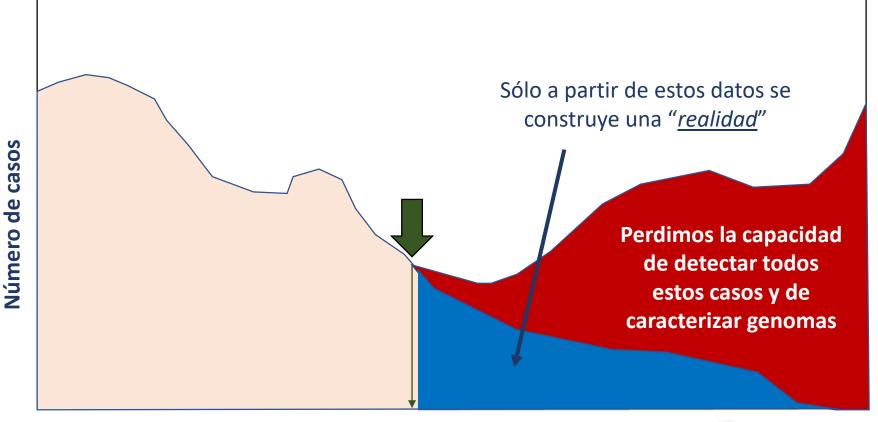
@congreso.cnb



# En general, debemos ser cautos con el "entendimiento" de la epidemiología actual de

la COVID-19

## El reducido número de casos detectados y secuenciados afecta la vigilancia







## Plan de presentación

- 1. Generalidades sobre SARS-CoV-2 (S2) y COVID-19
- 2. Epidemiología global y situación actual en Colombia
- 3. Aportes desde el diagnóstico e investigación
- 4. Conclusiones







## Múltiples laboratorios del Programa Nacional de Caracterización Genómica generan información

#### **Desde UNIMOL:**

- >200 secuencias genéticas parciales de spike depositadas en GenBank
- >1k genomas completos depositados en GISAID



https://www.ins.gov.co/Noticias/Paginas/coronavirus-genoma.aspx







# Alcance diagnóstico de UNIMOL

 >300 mil muestras procesadas procedentes de Bolívar y otros departamentos, así como de extranjeros

[Esta charla no alcanzaría para contar TODAS las experiencias y lecciones aprendidas]







## Producción científica en UNIMOL

- Informamos la primera detección de la variante Delta AY46.6 de todo Colombia, y uno de los primeros en reportar esta variante
- Primeros en detectar Omicron, y primeros en reportar el sublinaje BA.2
- Generamos datos que informaron medidas



Diagnóstico de COVID-19 y caracterización de variantes basado en la experiencia del Laboratorio UNIMOL

Am. J. Trop. Med. Hyg., 103(6), 2020, pp. 2347–2349 doi:10.4269/ajtmt.20-1027 Copyright © 2020 by The American Society of Tropical Medicine and Hygiene

### Negative Correlation between Altitude and COVID-19 Pandemic in Colombia: A Preliminary Report

Eder Cano-Pérez, <sup>1</sup>\* Jaison Torres-Pacheco, <sup>1</sup> María Carolina Fragozo-Ramos, <sup>2</sup> Génesis García-Díaz, <sup>3,4</sup> Eduardo Montalvo-Varela, <sup>4</sup> and Juan Carlos Pozo-Palacios<sup>3,5</sup>



implementing rapid tests for the

diagnosis of COVID-19 in Latin America

Epidemiology of COVID-19 in Individuals under 18 Years Old

in Cartagena, Colombia: An Ecological Study of the First 14

Steev Loyola 1,2,3,40, Eder Cano-Pérez 1, Jaison Torres-Pacheco 1, Dacia Malambo-Garcia 1,2, Ruben Gomez 2

Months of the Pandemic

and Doris Gomez-Camargo 1,2,\*



## Plan de presentación

- 1. Generalidades sobre SARS-CoV-2 (S2) y COVID-19
- 2. Epidemiología global y situación actual en Colombia
- 3. Aportes desde el diagnóstico e investigación
- 4. Conclusiones







### **Conclusiones**

- 1. S2 es muy probablemente de origen zoonótico
- 2. S2 no siempre causa enfermedad sintomática, aun así, los casos pueden ser identificados en etapas agudas por RT-PCR o pruebas de flujo lateral
- 3. En la actualidad, múltiples sublinajes de Omicron siguen en circulación, siendo XBB.1.5; XBB.1.16; y EG.5 reconocidos como VOIs
- 4. Nuestro entendimiento de la epidemiología y circulación de variantes está sesgado
- 5. El aporte desde el diagnóstico y/o investigación es clave para generar evidencia y estar mejor preparados ante futuras amenazas







### Agradecimientos

A lo/as <u>bacteriólogos/as</u>, biólogos/as, médicos/as, y personal técnico y administrativo de UNIMOL

A las autoridades de Salud por confiar en la capacidad de respuesta de UNIMOL











## Gracias por su atención ¿Preguntas?

Steev Loyola
Grupo de Investigación UNIMOL — A1, Universidad de Cartagena
ORCID: 0000-0001-5455-2423
steev.loyola@gmail.com / sloyolas@unicartagena.edu.co



